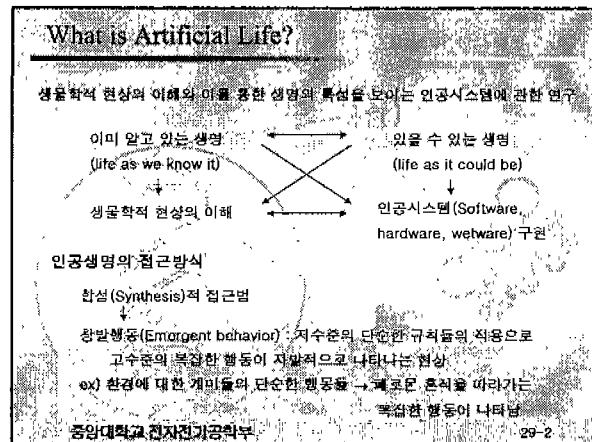


Artificial Life

한국 퍼지 및 지능시스템학회 추계학술대회
중앙대학교 전자전기공학부
교수 심 귀 보
Kbsim@cau.ac.kr



Cont.

생명의 특징: 자기재생산, 적응, 자율성, 진화, 자기유지 등

- 정보 (Information): 생명은 형태와 기능을 지배하여, 복제되고 진화되는 정보이다.
- 과정 (Process): 생명의 본질은 과정이지 물리적 구조가 아니다.

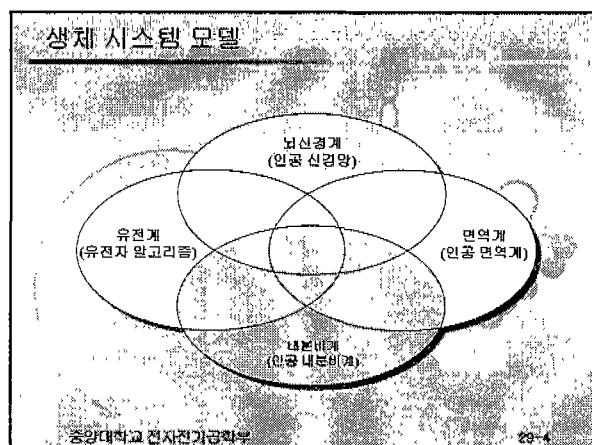
인공생명에서는 생명체의 형태 자체보다는 정보로서의 기능과 과정을 연구의 대상으로 삼는다.

ex) 사람들을 모방한 로봇 팔(x) 발생 과정을 통해 생성한 로봇 팔(y)

인공생명의 방법론

- 작용원동모형: Classifier System, Neural Network, Immune System
- 진화연산 모형: 유전자 알고리즘 (GA), 진화 진화 (ES), 진화 프로그래밍 (EP), 유전자 프로그래밍 (GP), 공진화
- 생성 규칙 모형: Lindenmayer System (L-System), Cellular Automata (CA)

중앙대학교 전자전기공학부 29-3



자기 재생산 (Self Reproduction)

몬 노이만이 생명의 자기복제의 논리를 밝힌 것은 인공생명의 결정론 탄생 배경

몬 노이만의 자기 재생산 오토마トン

노이만이 상상한 최초의 자기 재생산 오토마トン은 29가지 상태를 갖는 20막, 4개의 Cell 들로 이루어진 일종의 기대한 커뮤티

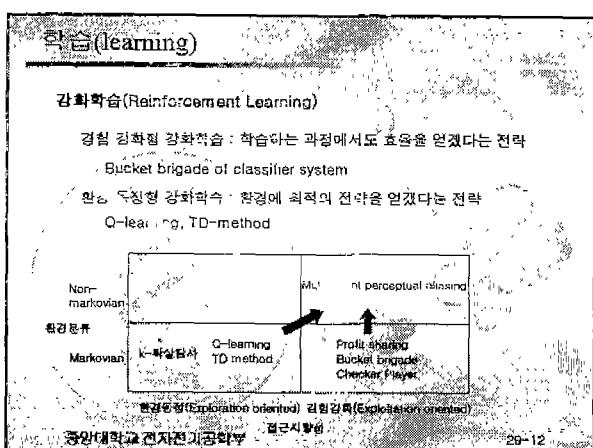
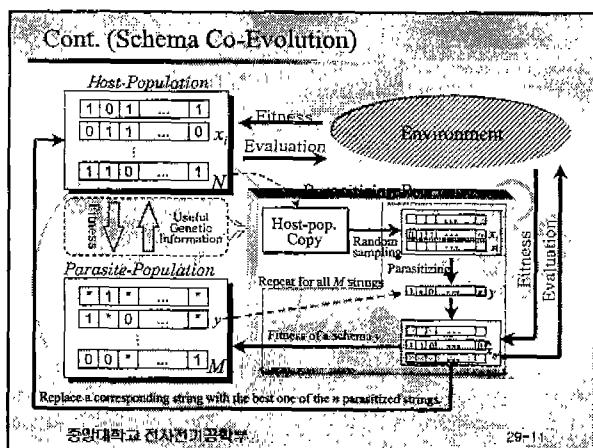
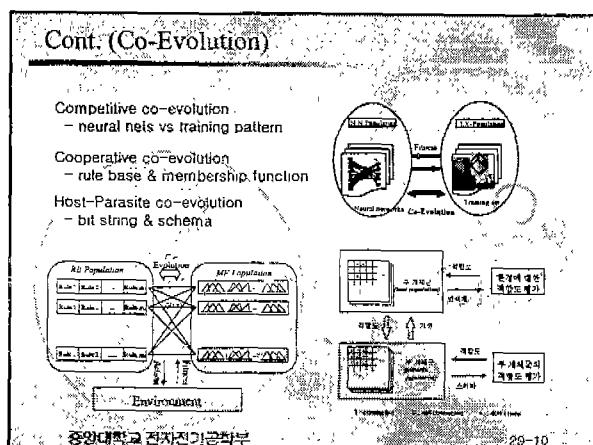
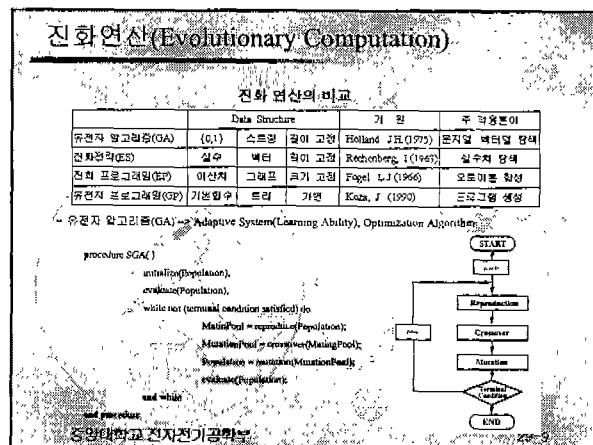
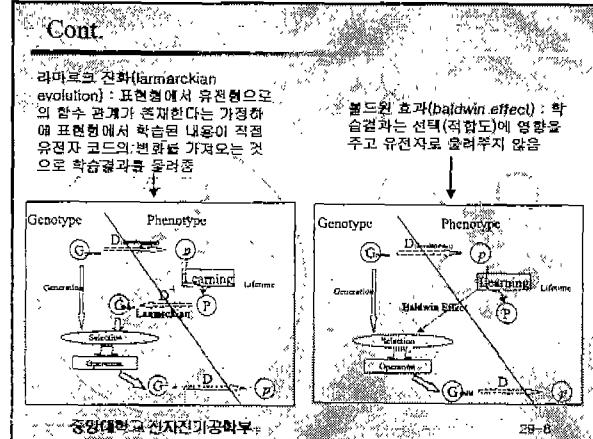
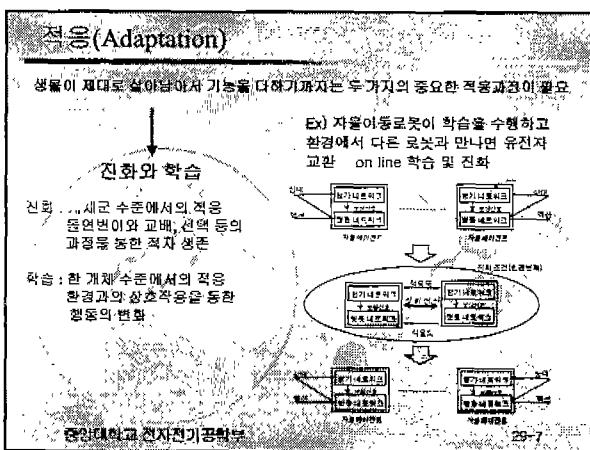
크게 3개의 구성요소로 이루어져 있다

- Factory: 환경으로부터 물질을 수집하여 명령에 따라 조립하고 그 결과물을 다른 구성요소로 공급
- Duplicator: 정보로 이루어진 명령을 읽고 그 명령을 복제
- Computer: 제어 장치

자손을 생산하기 위하여 재료들을 모으고, 경험하여 자손의 복제자와 컴퓨터를 만들고 재생산 모듈이 모인 태이프를 자손에게 전달하는 티셔로운 '변신법'을 소개함. 후에 DNA의 역할에 천사의 개념과 동일한 것으로 밝혀짐

29-5





발생·발달 모델(Ontogenetic Models)

Lindenmayer System

- L-시스템 : 일종의 문자열 재작용 알고리즘(string rewriting mechanism)
- L-시스템에서 사용되는 문자들은 다음과 같이 정의된다
- 문자(Alphabet) Σ : 쉬운 또는 도자기의 유한집합
ex) $\Sigma = \{a, b, c\}$
- 문자열의 집합 Σ^* : 집합 Σ 에서 정의된 실현 가능한 연속된 문자열 집합
ex) $\Sigma^* = \{a, b, c, ab, bc, ca, abc, aaabcc, \dots\}$
- 초기 문자열(Axiom) α : 집합 Σ^* 의 α 가 아닌 임의의 한 원소이며, L-시스템은 이 초기 문자로부터 생성규칙에 의해 성장한다
ex) $\alpha = a$

29-13

Cont. (L-System)

- 생성 규칙(Production Rule) Π : 하나의 문자 $\alpha \in \Sigma$ 에 대한 문자열 $\alpha \rightarrow \beta \in \Sigma^*$ 의 대응
ex) $a \rightarrow \beta$
 $b \rightarrow a$
- 언어(Language) : L-시스템의 문법 G 는 다음과 같이 표현한다
 $G = (\Sigma, \Pi, \alpha)$
단 Σ 는 문자의 집합, Π 는 생성 규칙의 집합($\Pi = \{\pi | \pi : \Sigma \rightarrow \Sigma^*\}$), α 는 초기 문자열이다
- Example : $G = (\Sigma, \Pi, \alpha)$
 $\Sigma = \{A, B, C\}$
 $\Pi = \{A \rightarrow BA, B \rightarrow CB, C \rightarrow AC\}$
 $\alpha = ABC$
이번 쪽으로 생성되는 언어는
 $L = \{ABC, BACBAC, CBBAACCBBAAC, \dots\}$

29-14

Cont. (L-System의 종류)

- 문맥자유 L-시스템(context free L-system) : 0L-system
- 문맥의존 L-시스템(context sensitivity L-system) : 1L-system, 2L-system
- Bracketed L-시스템(Bracket L-system)
[] 기호를 이용하여 괄호구조나 나무의 가지를 표현하기 위해 고안된 L-시스템
- 파라미터 L-시스템(Parameteric L-system)
기본적인 L-시스템을 확장하여 파라미터와 조건(condition of parameter)을 포함한 집합
문맥이 일치하였을 때 생성 규칙이 적용되는 L-시스템
기본 형 Predecessor with parameter : Condition of parameter \rightarrow Successor with parameter
- 지도형 L-시스템(Map L-system)
어떤 영역을 둘러싸고 있는 경계에 대한 생성 규칙을 이용해 지도를 형성해 나가는 L-시스템
지도 형성 및 영역 분할(세로·로우) 모델링에 사용됨

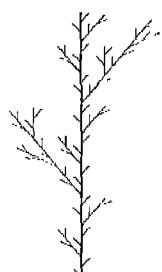
28-15

Cont. (L-System의 예)

Bracketed L-시스템의 예

$\Sigma = \{F, +, -, [,]\}$
 $\alpha = F$
 $\Pi = (F \rightarrow F[+ F]F[-F]F)$

F : draw a line in the current direction
 $+$: rotate δ to the left
 $-$: rotate of δ to the right



3 level growth

29-16

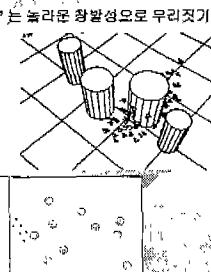
Emergence

창조 : 부분간의 규칙적인 상호작용의 결과로 전체가 나타나고 그 전체가 부분의 환경에 묵어 그것에 의해서 자배되는 새로운 질서가 형성되는 현상

크레이그 레이놀즈가 만든 컴퓨터 세 '보이드(void)'는 놀라운 창발성으로 무리짓기 행동을 보여주었음.

행동 규칙

- 우리의 무게 중심은 향해 움직임
- 다른 보이드와 충돌하지 않도록 너무 가까이는 가지 않도록 움직임
- 우리의 평균 속도에 맞추어 날 수 있도록 속도를 조절함



우리를 지어진 대상을 피하는 필요

29-17

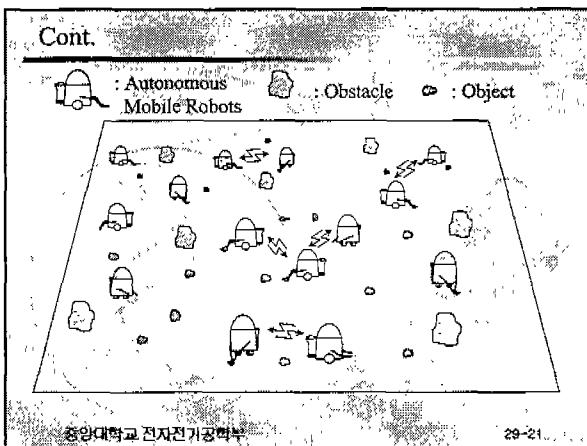
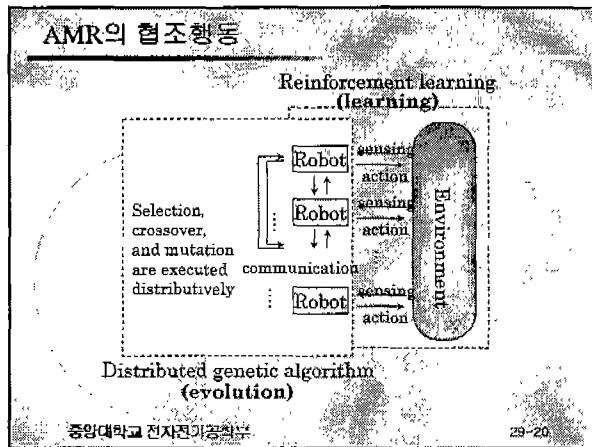
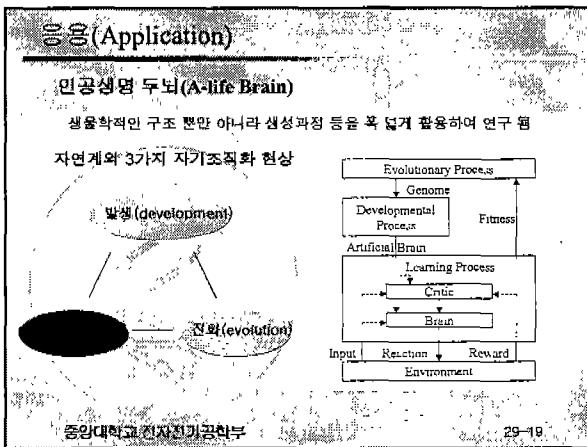
Cont. (Subsumption Architecture)

- 주변 환경(세계)에 대한 경복한 모델들이 필요하지 않음
- 각각의 행동들은 분산적이고 병렬적으로 또한 서로 비동기적으로 일어남
- 복잡하고 반복하는 환경에 대하여 블록이 실시간으로 대처할 수 있음
- 낮은 수준의 행동들은 실시간 대처, 보다 높은 행동들은 목표 달성을 할 수 있게 하는 상향식(bottom-up) 구조

기존의 인공지능 방법		포섭 구조(SA)	
입력	인식	인식	주론
	모델링	모델링	대상식별
	계획	계획	지도작성
	작업	작업	↑ 출력
	수행	수행	답사
	제어	제어	장애물 회피

정보 처리와 병렬현상 발생, 안정화
근총과 같이 완경세계에 드는 반응

29-18



Biological DNA

4 염기 : Adenine(A) Thymine(T) Guanine(G) Cytosine(C)

코돈(codon) : 3개의 염기로 구성된 기본 의미 단위로 하나의 아미노산을 코드화

	U	C	A	G
U	UUU Phenylalanine UUC Serine UUA Leucine UUG Methionine	UCU Serine UCC Leucine UCA Alanine UCC Alanine	UAU Tyrosine UAC Histidine UAA STOP UAG Glutamine	UGU Cysteine UGC Cysteine UGA STOP UGG Tryptophan
C	CUU Leucine CUC Leucine CUA Alanine CUG Methionine	CCU Serine CCC Leucine CCA Alanine CCG Alanine	CAU Histidine CAC Histidine CAA Glutamine CAG Glutamine	CGU Arginine CGC Arginine CGA Arginine CGG Arginine
A	AUU Isoleucine AUC Isoleucine AUA Isoleucine	ACU Threonine ACC Threonine ACA Threonine ACG Threonine	AAU Asparagine AAC Asparagine AAA Lysine AAG Lysine	AGU Serine AGC Serine ACA Serine AGC Serine
G	GUU Valine GUC Valine GUA Alanine GUG Alanine	GCU Alanine GCC Alanine GCA Alanine GCG Alanine	GAU Aspartic acid GAC Aspartic acid GAA Glutamic acid GAG Glutamic acid	GGU Glycine GGC Glycine GGA Glycine GGG Glycine

29-22

DNA Coding

DNA 코딩

- 염색체의 구조: 4개의 염기(A,T,G,C)를 기본으로 하는 일종의 4진 스트링
- 해석단위: 3개의 염기 단위로 해석(코돈)
- 번역의 단위: 시작코돈(일반적으로 ATG)이 나오면 번역을 시작하여 번역이 끝나거나 종료 코돈이 나오면 번역을 종료

생물학적 DNA와 DNA 코딩의 비교

	생물학적 DNA	DNA 코딩
코돈	아미노산을 일종화 하는 최소 단위	구획의 최소 의미 단위
시작코돈	번역의 시작점	번역의 시작점
종료코돈	번역의 종료점	번역의 시작점
번역 간과물	단백질, 표소	구획

29-23

Cont.

DNA 코딩의 특징

- 염색체의 길이가 기본적이다.
- 교차점이 강제적으로 주어지지 않는다.
- 코딩에 예문과 중복이 있다.
- 지식의 움동성 있는 표현(규칙)이 가능하다.

DNA 코딩의 적용 순서

- ① 규칙의 표현방법 및 구성요소를 결정
- ② DNA 코돈(아미노산)에 대응되는 규칙의 구성요소 : 이론을 작성
- ③ 번역하는 방법을 결정
- ④ 진화 알고리즘을 이용하여 진화

29-24

L-System 기반 신경회로망

신경회로망의 노드 구성

name of node	C/R	bias	weight
# of codon : 1	1	1	4

• C/R : connecting range, 다른 노드와 연결되는 범위를 나타냄
 • bias & weight(연결강도)

$$w = \frac{(B_0 \times 4^2 + B_1 \times 4^1 + B_2 \times 4^0) - 32}{10}$$

다. B_0, B_1, B_2 는 한 코돈 내의 염기로서 A, T, G, C중 한 염기를 나타내며 각각 0, 1, 2, 3의 값을 갖는 정수이다. 또한 이 식에서 -32는 <3, 1>이 된다.

29-23

Cont.

코돈(아미노산)의 해석표

Amino Acid	Node's Name	Connection Range
Leu	A	1,1
Arg	B	2,2
Ser	C	3,3
Thr	D	1,2
Ala	A	1,3
Gly	B	1,4
Val	C	2,3
Pro	D	2,4
Stop		
Ile	A	3,4
Tyr	B	4,4
Gln	C	1,1
Phe	D	2,2
Asp		3,3
Cys		1,2
Asn		1,3
Glu		1,4
His		2,3
Lys		2,4
Trp	C	3,4
Met	D	4,4

29-26

Cont.

DNA의 해석

CG ATG CGG CGT GAA TGC CGG GGT CCA TAC CTC GGG ACA ...

Rule1 : Arg Arg Glu Cys Arg Gly Pro Tyr Leu Gly

Rule2 : B (2,2) (-1,6, 0,5, 2,1, -1,0, 2,6) B (1,1) (-0,9,)

Translate process

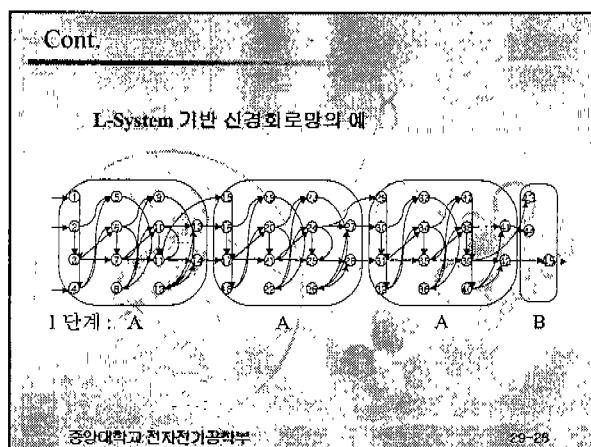
Node 1 Node 2

Rule 1' B → B(1,1) ...

Rule2 : D / (1,4) ...

Rule 2 : D ...

29-27



Conclusion

인공생명 관련 Web Site

- 인공생명 연구회 : <http://rics.cie.cau.ac.kr/>
- Alife Online : <http://alife.org/>
- Complex Systems Virtual Library : http://life.csu.edu.au/vl_complex/0ArtificialLife.html
- Artificial Life Researches in Japan : <http://www.jntlab.soka.ac.jp/ArtificialLife/>
- Complex Adaptive Systems and Artificial Life (Moshe Sipper) : http://slwww.epfl.ch/~moshes/alife_links.html
- The Live Alife Page : <http://alife.fusebox.com/>
- Reinforcement Learning : <http://envy.cs.umass.edu/>
- Ronald Arkin's Homepage(Reactive and Homeostatic Control) : <http://www.cc.gatech.edu/aimosaic/faculty/arkin.html>

29-29