

A212

ITS 염기서열에 근거한 홍조 풀가사리속 (*Gloiopeltis*) 식물의 계통학적 유연관계

이재완¹, 최한구², 이해복¹, 부성민²
청주대학교 생물학과¹, 충남대학교 생물학과²

홍조 풀가사리속 식물은 북태평양 연안의 조간대 중, 상부의 암반에 생육하며, 현재 참풀가사리 (*G. tenax*), 불등풀가사리 (*G. furcata*) 그리고 애기풀가사리 (*G. complanata*)의 3종이 보고되어 있다. 특히 불등풀가사리는 체형에 따라 typical *G. furcata* type, *G. furcata* f. *intricata* type 그리고 *G. furcata* f. *coliformis* type으로 구분되며 이들은 각각 다른 생육지 특성과 생물계절을 보여주고 있다. 본 연구에서는 풀가사리속 3종의 18 지역집단(또는 개체군)을 대상으로 핵 rDNA의 ITS 염기서열을 분석하여 이들 분류군간, 특히 불등풀가사리의 세가지 형태 및 생태 유형에 주목하여 각 분류군간의 분자계통학적 유연관계를 파악하고자 시도되었다. ITS1과 ITS2 염기서열에 대한 근린결합분석과 최대절약분석 결과 대상 분류군은 강하게 지지되는 네 개의 계통군- 애기풀가사리군, 남해안에 생육하는 참풀가사리와 불등풀가사리의 복합군, 동해안 중부 이북과 일본 북해도에 생육하는 불등풀가사리군 그리고 동해안 영해와 서해안 파도리에 생육하는 불등풀가사리군 -으로 분석되었다. 애기풀가사리군을 제외한 세 개의 계통군은 형태 및 생태 유형과는 관계없이 생물지리적 분포와 깊이 연관되었음이 주목되었다.

A213

A Theoretical Model-building for Intraspecific Taxa Based on Morphometric Analyses - the *Ixeris chinensis* Complex (Asteraceae, Lactuceae)

Sung Soo Whang*, Kyung Choi, and Jae-Hong Pak
Department of Biology, Kyungpook National University

Morphological discrete plays a prime role in the superficial recognition of microspecies within the complex of species. However, most morphological characters scoring in the species complex usually show considerable overlap in each. And the separation of microspecies and their hierarchical arrangements are then usually intractable. In order to have a biosystematic study for the *Ixeris chinensis* complex as well as to establish a theoretical model-building for microspecies, morphometric procedures were used with 40 morphological characters from each of 110 individuals. Of them, 20 individuals of *I. tamagawaensis* known to a nearest relative to the complex were included as an outgroup. After the huge amount of original data measured was firstly reduced by a factor analysis, implied data values newly produced by factor score were continuously analyzed by a series of statistic methods. We will not only discuss taxonomic categories at the levels of both species and below the species with the result of these analyses but test taxonomic schemes proposed for the complex.