

D-5 Determination of the primary structure and sequence analysis of 18S rDNA of a chipmunks (Rodentia), *Tamias asiaticus*

류성호*, 고흥선¹, 김원

서울대학교 자연대학 분자생물학과, ¹충북대학교 자연대학 생물학과

We have determined the complete nucleotide sequence of the 18S ribosomal RNA gene from the chipmunk (Rodentia), *Tamias asiaticus*. A comparison of the chipmunk 18S ribosomal RNA gene sequence with the known sequences of human, rabbit, rat and mouse revealed similarity values about 90 percent between the species. Sequence alignments revealed that the V1, V3 regions had no difference in sequences and the V7, V8 showed difference in only one site. The V4, V5, and V9 regions had different nucleotide sequences of 11, 2 and 4 sites respectively. The rabbit in particular contained 4 nucleotides sequences inserted in the V4 region. The V2 region was highly variable in the mammals representing 30 site difference, the secondary structure of which was not conserved as well.

D-6 *Protyora* 속의 일 신종과 생물지리적 분포(Homoptera: Psylloidea: Carsidaridae)

박 희천, K. L. Taylor¹

경북대학교 생물학과, ¹Division of Ent., CSIRO, Australia

Protyora 속은 *P. sterculae* (Frogatt)를 첫번째 종, 모식종으로하여 1901년에 *Brachiton populium* (Sterculiae) 기주식물로 부터 호주 남부지역에서 호주고유속으로 보고된 이후, 약 80년만인 1987년에 영국의 Hollis에 의해 인도네시아 Sulawesi, Dumoga 등지에서 채집된 표본을 가지고 제2의 종인 *P. wilsoni* 를 보고하였다. 그러나 이 종들의 생물지리적인 분포는 첫번째 종이 호주남부지역에 분포하고 제2의 종이 인도네시아에 분포하여 속내 종들간에 지리적인 연결이 될수 없었다. 그러나 최근 저자들에 의하여 호주의 북부 아열대지역에서 *Argyrodendron* sp. 에 서식하는 제3의 종인 *P. argyrodendronae* n. sp. 가 발견되어 보고하는 바이다. 이 종의 분포는 그동안 이 속의 앞서 보고된 두 종이 지리적으로 격리 되었던 호주남부와 동남아시아를 이어주는 중요한 생물지리적 위치에 있게 된다.