

A209

RFLP Variation from ITS of nuclear ribosomal DNA in Korean *Lycoris* (Amaryllidaceae)

Young-Bae Suh, Mu-Yeol Kim¹, and Byong-Soon Lee*²
Natural Products Research Institute, Seoul Natl. Univ.; ¹Dept. of Biology, Chonbuk Natl. Univ.; ²Dept. of Biology, Jeonju Univ.

To assess the interspecific relationships of the Korean *Lycoris*, Restriction Fragment Length Polymorphism (RFLP) analysis was undertaken. The internal transcribed spacer (ITS) regions of 18-26S nuclear ribosomal DNA were amplified by the PCR. PCR products were digested with the restriction enzyme *Hha* I, *Alu* I, *Hsp92* II, *MSP* I to resolve the species-specific nrDNA. The RFLP patterns also present the evidence of hybrid species.

A210

Ribosomal RNA 유전자의 다형형상 분석에 의한 운향과의 계통

김호준* · 최홍근
아주대학교 자연과학대학 기초과학부

우리는 운향과의 초피나무속(Genus *Zanthoxylum*)과 산초나무속(Genus *Fagara*)의 속간 한계에 대한 연구를 계속하여 오고 있다. 두 속의 형태적 특성에 대한 연구와 ribosomal RNA 유전자(=rDNA) 다형현상에 대한 연구에 이어서, 본 연구에서는 운향과 전체의 여러 속에 대한 DNA 변이 분석을 시도하였다. 제한효소 *EcoRI*에 의한 rDNA의 변이를 분석한 결과 우리나라 운향과의 속들은 최소한 두 그룹으로 구분되어질 수 있는 것으로 보인다. 즉, 초피나무(*Zanthoxylum piperitum*), 오수유(*Evodia officinalis*), 털황벽(*Phellodendron amurense*), 루타(*Ruta*)가 한 그룹을 이루고 산초나무(*Fagara mantchurica*), 탕자(*Poncirus trifoliata*), 유자(*Citrus junos*), 상산(*Orixa japonica*) 등이 다른 한 그룹을 이룬다. 이러한 rDNA 변이를 분석하여 운향과의 각 속간의 분자 계통관계를 수립하였다. 또한 초피나무속과 산초나무속이 각각 독립된 속으로서 재설정될 수 있는 가능성을 검토하였다.