

최 석 호 · 이 승 배*

상지대학교 생명자원과학대학 낙농자원식품학과

본 연구는 발효유에서 분리한 유산균의 DNA 지문분석(DNA fingerprinting)을 위해 arbitrarily primed-polymerase chain reaction(AP-PCR)을 이용하여 비교분석 하였다. *Streptococcus salivarius subsp. thermophilus* 4 균주, *Lactobacillus delbruevii subsp. bulgaricus* 4균주, *Lactobacillus helveticus* 1균주를 일본산 발효유로 부터 분리하여 동정하였다. 이 유산균들로 부터 DNA를 분리하여 AP-PCR template로 사용하였다. AP-PCR에 의해 합성된 *S. thermophilus*와 *L. bulgaricus*의 DNA 절편들의 분포는 균주들간에 다소 차이가 있으나 동일한 길이의 DNA절편들이 같은 종의 균주간에서 동일하게 보였다. *L. helveticus*와 *L. bulgaricus*는 공통된 길이의 DNA절편을 가지고 있지않았다. 일본산 발효유에서 분리한 유산균의 AP-PCR에 의해 형성된 DNA절편형태를 한국산 발효유에서 분리한 유산균들의 DNA절편형태와 비교하였다.